

## AMENDMENTS TO THE SPECIFICATION

Please replace Table 9 on page 50, line 25, with the following:

Table 9. DESCRIPTION OF SEQUENCES

Description	
FactorV-leiden gs_primerFVwt	TACTTCAAGGACAAAATACCTGTATTCCGC (SEQ ID NO:4)
FactorV-leiden gs_primerFVmt	TACTTCAAGGACAAAATACCTGTATTCCAT (SEQ ID NO:5)
FactorV-leiden com_primerV:	CAGGGGAAACCTATACTTATAAGTGGAACATC (SEQ ID NO:6)
ApoE158 gs_primer158 T:	ATGCCGATGACCTGCAGAATT (SEQ ID NO:82)
ApoE158 gs_primer158 C:	ATGCCGATGACCTGCAGAATC (SEQ ID NO:83)
ApoE158 com_p158 (cv):	CCTCGCGGATGGCGCTGA (SEQ ID NO:84)
ApoE112 gs_primer112 T:	CGCGGACATGGAGGACGTTT (SEQ ID NO:7)
ApoE112 gs_primer112 C:	CGCGGACATGGAGGACGTT (SEQ ID NO:8)
ApoE112 com_p112 (cv):	GAGCATGGCCTGCACCTC (SEQ ID NO:9)
MTHFR gs_pMTHFRwt:	GAAGGAGAAGGTGTCTGCGGTAGC (SEQ ID NO:1)
MTHFR gs_pMTHFRmt:	GAAGGAGAAGGTGTCTGCGGAAGT (SEQ ID NO:2)
MTHFR com_pMTHFR:	AGGACGGTGCCTGAGAGTG (SEQ ID NO:10)
eR1	CGCGATTGGCGTCTGAGCGCTTTAAA (SEQ ID NO:11)
eR3	CAGCCACACAGAGCGCE-TAGTTCCAATGAC (SEQ ID NO:13)
eR4	CGGCGTAGCCCTCTCCGTCGTCTGTGTCC (SEQ ID NO:14)
eR5	CGACGCTTGCAAGATGATACTTGCCTGG (SEQ ID NO:15)
eR6	CCGTGGATCAGCCTGCCGATTCCGTACAC (SEQ ID NO:16)
eR9	CCTGTTCGGCCCTGAAGACAAGAGATTCG (SEQ ID NO:19)
eR10	CGAGCAACCGGTCCTACCCCTAACG (SEQ ID NO:20)
eR11	CGAACCGTAGGTCAACCTGAGCGTGCAT (SEQ ID NO:21)
eR12	CGCGAGCGCTAGTGAACGTACCTAGATTTC (SEQ ID NO:22)
eR18	CATCATTCTATCGCGACAACGCGGGCGAA (SEQ ID NO:85)
eR20	CCGTTCGCGTAGTGCCTGCCGAGGGCATCAATT (SEQ ID NO:30)
eR21	CCACGCCCTCTATTGTCTTCAGCCCGTC (SEQ ID NO:31)
eR22	CAGGTTCGCACTCAGTCTTCCAAGGCGCG (SEQ ID NO:32)
eR34	CTCGGCACGGTTCTACGGAGTCATAGCGA (SEQ ID NO:36)
eR36	CTACTTGCCTCGCGTAGTGGAGGGAGTT (SEQ ID NO:38)
eR38	CTCGACCGCCAATCCGCAATATGAGCCATG (SEQ ID NO:40)
eR42	CTGAACAATGCCGCGACAATGGAGCTGAAG (SEQ ID NO:44)
eR45	CTGAGACGATAAGGCCGCTTATTGCACCCCT (SEQ ID NO:47)
eR47	CTACGCACCTATGACGCCCTAACCTTGG (SEQ ID NO:49)
eR50	CTCAGGAAGGGCGAAGCGTCCCTGCCAAT (SEQ ID NO:52)
Up_M1 universal primer sequence:	AGGTCCACTGCGTCCGATGT (SEQ ID NO:53)
Up_M1 universal primer sequence + Spacer	AGGTCCACTGCGTCCGATGTTCGACT (SEQ ID NO:54)
Up_M2 universal primer sequence:	TTGGCAGCTCTCGGCATCAG (SEQ ID NO:55)
Up_M2 universal primer sequence + Spacer	TTGGCAGCTCTCGGCATCAGTCGACT (SEQ ID NO:56)
Up_M3 universal primer sequence:	TGAAGACCGTCGCGTAC (SEQ ID NO:57)
Up_M3 universal primer sequence + Spacer	TGAAGACCGTCGCGTACTCGACT (SEQ ID NO:58)
4FVw universal e-tag primer	AGGTCCACTGCGTCCGATGTTCGACTCGGCATGCGTAC (SEQ ID NO:59)
	CCTACTTCA AGGACAAAATACCTGTATTCCGC (SEQ ID NO:59)

18FVm universal e-tag primer
AGGTCCACTGCGTCCGATGTTGACTCATCATTCTATCGGACAAACGCCGGCCGA ATACTTCAAGGACAAAATACCTGTATTCCAT (SEQ ID NO:60)
CFVr universal e-tag primer
AGGTCCACTGCGTCCGATGTCAGGGAAACCTATACTTATAAGTGGAACATC (SEQ ID NO:61)
10MTHFRw universal e-tag primer
AGGTCCACTGCGTCCGATGTTGACTCGAGCAACCGGTCCGTCTACCCCTAAC GGAAGGAGAAGGTGTGCGGTAGC (SEQ ID NO:62)
20MTHFRm universal e-tag primer
AGGTCCACTGCGTCCGATGTTGACTCCGTTCGTAGTGCCGAGGGCATCAAT TAGAAGGAGAAGGTGTGCGGAAGT (SEQ ID NO:63)
CMTHFRr universal e-tag primer
AGGTCCACTGCGTCCGATGTTAGGACGGTGCGGTGAGAGTG (SEQ ID NO:64)
34E158T universal e-tag primer
AGGTCCACTGCGTCCGATGTTGACTCTCGGCACGGTTCTACGGAGTGCATAGC GAGATGCCGATGACCTGCAGAATT (SEQ ID NO:86)
36E158C universal e-tag primer
AGGTCCACTGCGTCCGATGTTGACTCTACTGCCTCGCGTAGTGGAGGAGAGT TATGCCGATGACCTGCAGAATC (SEQ ID NO:87)
cE158r universal e-tag primer
AGGTCCACTGCGTCCGATGTCCTCGCGGATGGCGCTGA (SEQ ID NO:88)
50E112T universal e-tag primer
AGGTCCACTGCGTCCGATGTTGACTCTCAGGAAGGGCGAACGCGTCCCTGCCA ATCGCGGACATGGAGGACGTT (SEQ ID NO:65)
47E112C universal e-tag primer
AGGTCCACTGCGTCCGATGTTGACTCTACGCACCTATGACGCCCTAACCTTG GCGCGGACATGGAGGACGTT (SEQ ID NO:66)
cE112r
AGGTCCACTGCGTCCGATGTTGAGCATGGCCTGCACCTC (SEQ ID NO:67)
a126CT-eR4
TET-(M5)2-CG*C*C*GTAGCCCTCTCCGTCGCTGTGTC-biotin (SEQ ID NO:68)
a126CF-eR18
6-FAM-(M5)2-CA*T*C*ATTCTATCGCGACAACGCCGGCGAA-biotin (SEQ ID NO:69)
a156CT-eR10
TET-(M2)2-CG*A*G*CAACCGGTCCGTCGCTCTACCCCTAACCG-biotin (SEQ ID NO:70)
a156CF-eR20
6-FAM-(M2)2-CC*G*T*TCGCGTAGTGCCGAGGGCATCAATT-biotin (SEQ ID NO:71)
a156CF-eR20
6-FAM-(M2)2-CC*G*T*TCGCGTAGTGCCGAGGGCATCAATT-biotin (SEQ ID NO:71)
a125CT-eR36
TET-(M5)-CT*A*C*TTGCCCTCGCGTAGTGGAGGAGAGTT-biotin (SEQ ID NO:72)
a125CF-eR34
6-FAM-(M5)-CT*C*G*GCACGGTTCTACGGAGTGCATAGCGA-biotin (SEQ ID NO:73)
a1CT-eR50
TET-CT*C*A*GGAAGGGCGAACGCCCTGCCAAT-biotin (SEQ ID NO:74)
a1CF-eR47
6-FAM-CT*A*C*GCACCTATGACGCCCTAACCTTG-biotin (SEQ ID NO:75)